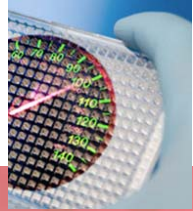
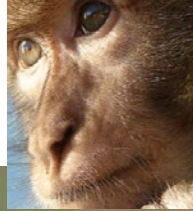


YESLAB

仪方生物

基因组芯片解决方案

Accelerate Your Genome Research



快速索引 (直接点击名称即可跳转)

表达谱芯片

| 植物 | 动物 | 微生物 |
|------------------------|------------------------|-------------------------|
| 水稻 | 人 | 酵母 |
| 拟南芥 | 小鼠 | 大肠杆菌 |
| 大麦 | 小鼠发育 | 金黄色葡萄球菌 |
| 烟草 | 大鼠 | 绿脓杆菌 |
| 小麦 | 猪 | 稻瘟病菌 |
| 西红柿/番茄 | 犬/狗 | |
| 玉米 | 马 | |
| 棉花 | 兔 | |
| 大豆 | 羊 | |
| 油菜 | 牛 | |
| 杨树/白杨 | 恒河猴 | |
| 甘蔗 | 鸡 | |
| 葡萄 | 非洲爪蟾 | |
| 苜蓿 | 斑马鱼 | |
| 柑橘 | 三文鱼 | |
| 白菜 | 果蝇 | |
| 西瓜 | 蚊子 | |
| 甜瓜 | 线虫 | |
| 甘薯 | 蜜蜂 | |
| 草莓 | 小菜蛾 | |
| 豇豆 | 茧蜂科 | |
| 萝卜 | 姬蜂科 | |
| 茄子 | 弹尾虫/跳虫 | |
| 黄瓜 | 蚜虫 | |
| 辣椒 | 褐飞虱 | |
| 桃 | 烟粉虱 | |
| 苹果 | 白蚁 | |
| 梨 | 玉米螟 | |
| 杏 | 蚕 | |
| 桑树 | 疟原虫/疟蚊 | |

CGH 芯片

| 种类 | 种类 |
|-----------------------------|------------------------|
| 人 | 鸡 |
| 外显子CGH | 犬/狗 |
| 细胞遗传芯片 | 牛 |
| 人 1-22 号染色体 | 猪 |
| 人X号染色体 | 恒河猴 |
| 人Y号染色体 | 斑马鱼 |
| 人CNV | 果蝇 |
| 小鼠 | 线虫 |
| 大鼠 | 恶性疟原虫 |
| 黑猩猩 | 啤酒酵母 |
| 水稻 | 粟酒裂殖酵母 |
| 自定义 | |

甲基化芯片

| | |
|--------------------------|-------------------------|
| 拟南芥全基因组 | 小鼠全基因组 |
| 拟南芥启动子区域 | 小鼠CpG岛 |
| 犬/狗 | 小鼠启动子区域 |
| 人全基因组 | 线虫 |
| 人CpG岛 | 果蝇 |
| 人启动子区域 | 酵母 |
| 人HOX | 大鼠全基因组 |
| 人HG18 | 大鼠CpG |
| | 大鼠启动子 |

ChIP-chip 芯片

| 种类 | 种类 |
|------------------------|------------------------|
| 人基因组 | 小鼠基因组 |
| 人启动子区 | 小鼠启动子区 |
| 人 | 小鼠定制 |
| ENCODE | |
| 拟南芥基因组 | 大鼠 |
| 拟南芥启动子 | 线虫 |
| 果蝇 | 酿酒酵母 |
| 斑马鱼 | 粟酒裂殖酵母 |
| 大肠杆菌 | 酵母 |

SNP 芯片

| | |
|-------------------|---------------------|
| 人 | 狗/犬 |
| 牛 | 羊 |
| 猪 | 玉米 |
| 马 | 水稻 |

序列捕获芯片

| | |
|-------------------------|-------------------------|
| 外显子序列捕获 | 自定义序列捕获 |
|-------------------------|-------------------------|

microRNA 芯片

| | |
|--------------------|----------------------|
| 人 | 水稻 |
| 小鼠 | 拟南芥 |
| 大鼠 | 玉米 |
| | 模式植物 |

表达谱基因芯片

Gene Expression Microarray

水稻

Affymetrix 水稻表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Rice Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 水稻基因组芯片覆盖约 51,279 个转录本, 代表两种水稻品系, 大约 48,564 个 japonica 转录本和 1,260 个 indica 转录。序列信息来源于 NCBI UniGene Build #52, (May 7, 2004), GenBank, TIGR Os1 v2 data set. (ftp.tigr.org FASTA, 89.3 MB)。

Agilent 水稻寡聚 DNA 芯片 (4×44K)

水稻是世界上最重要的粮食作物之一, 同时也是植物研究的重要模型。安捷伦的水稻全基因组表达谱芯片将使科学家能同时研究与生物功能、生长过程、生物性和非生物应抗逆反应等相关的数万个水稻基因。这一的探针设计源自安捷伦和日本国家农业生物科学研究所的成功合作, 代表了超过 40,000 个水稻基因和转录本, 所有注解都可以在 RAP-DB 数据库进行查询。

Phalanx 水稻表达谱基因组芯片

参考 RGAP v6.1 与 BGI 2008 基因组数据库进行设计, 以具有 GO 信息的基因序列为主, 藉由经年累积的经验所研发之基因批注运算流程, 设计具高度专一性的长链 60 个碱基寡核苷酸 (sense-strand) 的基因探针, 内容包含 Japonica 与 Indica 两个水稻品种, 每一个探针对其源数据库的目标基因皆具高度专一性, 避免非目标基因的杂交影响。基因探针设计数据库: - RGAP v6.1, - BGI 2008, 基因探针数 21,179 控制探针数 824 总探针数 22,003 个。

拟南芥

Affymetrix 拟南芥表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Arabidopsis ATH1 Genome Array

芯片介绍: 拟南芥是用于高等植物研究首选的模式生物之一。Affymetrix 拟南芥 ATH1 基因组芯片包含有 22,500 个探针组, 代表了 24,000 个基因。芯片信息基于 2000 年 12 月完成的国际拟南芥测序计划。

Agilent 拟南芥寡聚 DNA 芯片 4 (4×44K)

拟南芥是用于高等植物研究首选的模式生物之一。安捷伦的拟南芥全基因组表达谱芯片所用的序列信息来自于 RefSeq、TAIR、TIGR 和 Unigene 等知名数据库, 代表了超过 42,000 个拟南芥基因和转录本。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析, 在植物器官功能和发育、生长过程、生物性和非生物应抗逆反应等诸多领域获得新发现。

Roche NimbleGen 拟南芥(A. thaliana)表达谱芯片 4×72K 服务

Roche NimbleGen 拟南芥(A. thaliana)表达谱芯片 4×72K 服务 4*72K 30361 个基因

Roche NimbleGen 拟南芥(A. thaliana)表达谱芯片 12×135K 服务

Roche NimbleGen 拟南芥(A. thaliana)表达谱芯片 12×135K 服务 12*135K 39042 个基因

大麦

Affymetrix 大麦表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Barley Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 大麦基因组芯片芯片信息来自 NCBI/GenBank 数据库, 包含大约 400,000 条大麦 EST。

Agilent 大麦寡聚 DNA 芯片 4 (4x44K)

安捷伦最新推出的大麦全基因组表达谱芯片所用的序列信息源于

WormBase、RefSeq、Unigene、Ensembl、UCSC 和 TIGR 等知名数据库, 代表了超过 43,000 个大麦基因和转录本。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析, 在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。

烟草

Agilent 烟草寡聚 DNA 芯片 (4x44K)

安捷伦的烟草全基因组表达谱芯片代表了超过 42,034 个基因和转录本, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq、TIGR 和 Unigene 等知名数据库。

小麦

Affymetrix 小麦表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Wheat Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 小麦基因组芯片包含 61,127 个探针组, 代表 55,052 个转录本。序列信息来源于 Triticum aestivum UniGene Build #38 (build date April 24, 2004), ESTs (T. monococcum, T. turgidum, Aegilops tauschii) 以及 GenBank® full-length mRNAs (May 18, 2004)。

Agilent 小麦寡聚 DNA 芯片 4 (4x44K)

安捷伦最新推出的小麦全基因组表达谱芯片所用的序列信息源于 WormBase、

RefSeq、Unigene 和 TIGR 等知名数据库, 代表了超过 42,000 个基因和转录本。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析, 在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。

西红柿/番茄

Affymetrix 西红柿表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Tomato Genome Array

芯片介绍: 西红柿是重要的经济作物。Affymetrix 西红柿基因组芯片可用于检测西红柿 (*Lycopersicon esculentum*) 的基因表达情况。该款芯片包含超过 10,000 个探针组, 涵盖了 9,200 个转录本。序列信息来源于 *Lycopersicon esculentum* UniGene Build #20 (October 3, 2004) 以及 GenBank® mRNAs (November 5, 2004)。

Agilent 西红柿寡聚 DNA 芯片 (4x44K)

安捷伦最新推出的西红柿全基因组表达谱芯片所用的序列信息源于 WormBase、

RefSeq、Unigene 和 TIGR 等知名数据库, 代表了超过 42,000 个基因和转录本。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析, 在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。

玉米

Affymetrix 玉米表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Maize Genome Array

芯片介绍: 玉米是重要的经济作物。涵盖了 14,850 个转录本, Affymetrix 玉米基因组芯片包含的信息涵盖了 NCBI 的 UniGene 数据库中 100 种玉米品系, 如最具代表性的品系 B73, Ohio43, W22, W23, W64A 以及 Black Mexican Sweet 等。该款芯片包含 17,555 个探针组, 覆盖 14,850 个转录本, 代表了 13,339 条基因。

Agilent Maize Oligo Microarray (4x44K)

芯片介绍: Agilent 玉米全基因组表达谱芯片所用的序列信息源于 RefSeq 和 GeneBank 等知名数据库,代表了 43,803 个基因和转录本,与 斯坦福大学 Dr. Walbot 实验室合作开发。对研究者而言,这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析,在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。

棉花

Affymetrix 棉花米表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Cotton Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 棉花基因组芯片包含 23,977 个探针组,代表了 21,854 个棉花转录本,序列信息来源于 GenBank, dbEST, RefSeq, Gossypium hirsutum UniGene database, Gossypium raimondii UniGene database 等数据库。

Agilent 棉花寡聚 DNA 芯片 (4x44K)**Agilent Cotton Gene Expression Microarray**

安捷伦的棉花全基因组表达谱芯片所用的序列信息来自于

RefSeq, UniGene, TIGR Plant TA 和 TIGR Gene Indices 等知名数据库,代表了 43,803 个棉花基因和转录本。

大豆

Affymetrix 大豆表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Soybean Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 大豆基因组芯片覆盖 37,500 个大豆 (Glycine max)转录本,同时还可检测两种重要的大豆病原体,包含 15,800 个大豆疫霉属(Phytophthora sojae)和 7,500 个大豆孢囊线虫 (Heterodera glycines) 转录本。

油菜

Agilent 油菜寡聚 DNA 芯片 (4x44K)**Agilent Brassica Gene Expression Microarray**

油菜是用于高等植物研究首选的模式生物之一。安捷伦的拟南芥全基因组表达谱芯片所用的序列信息来自于 RefSeq, UniGene, TIGR Plant TA 和 TIGR Gene Indices 等知名数据库,代表了 43,803 个油菜基因和转录本。

杨树/白杨

Affymetrix 杨树表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Poplar Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 杨树基因组芯片包含超过 61,000 个探针组,代表了超过 56,000 个转录本和预测基因。序列信息来源于 UniGene Build #6 (March 16, 2005), GenBank(April 26, 2005)。

Roche NimbleGen 白杨(Populus)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 白杨(Populus)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 48276 个基因

甘蔗

Affymetrix 甘蔗表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Sugar Cane Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 甘蔗基因组芯片可用于检测甘蔗 (Saccharum officinarum) 的基因组表达情况。该款芯片包括 8,236 个甘蔗探针组,覆盖 6,024 条甘蔗基因。

葡萄

Affymetrix 葡萄表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Vitis vinifera (Grape) Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 葡萄基因组芯片覆盖 14,000 个 V. vinifera 转录本和 1,700 个其它葡萄品系。

| | |
|----|--|
| 苜蓿 | <p>Affymetrix 苜蓿表达谱芯片服务</p> <p>Affymetrix GeneChip® Medicago Genome Array</p> <p>芯片介绍: Affymetrix 苜蓿基因组芯片可用于检测 <i>M. truncatula</i>、<i>M. sativa</i>、<i>S. meliloti</i> 三个品系的苜蓿基因表达情况。该款芯片是农业科学研究者用于研究豆类基因组以及固氮细菌和植物之间共生关系的重要工具。该款芯片包含超过 61,200 个探针组, 其中 32,167 个 <i>M. truncatula</i> EST/mRNA 和叶绿体基因相关探针组, 18,733 个 <i>M. truncatula</i> IMGAG 和 2/3 BAC 预测探针组, 1,896 个 <i>M. sativa</i> EST/mRNA 相关探针组以及 8,305 个 <i>S. meliloti</i> 相关基因预测探针组。序列信息来自 TIGR、IMGAG 等。</p> <p>Agilent 苜蓿寡聚 DNA 芯片 (4x44K)</p> <p>Agilent Medicago Gene Expression Microarray</p> <p>安捷伦的苜蓿全基因组表达谱芯片所用的序列信息来自于 RefSeq, UniGene, TIGR Plant 和 TATIGR Gene Indices 等知名数据库, 代表了 43,803 个苜蓿基因和转录本。</p> |
| 柑橘 | <p>Affymetrix 柑橘表达谱芯片服务</p> <p>Affymetrix GeneChip® Citrus Genome Array</p> <p>芯片介绍: Affymetrix 柑橘基因组芯片包含 30,171 个探针组, 代表了 33,879 个柑橘转录本。</p> |
| 白菜 | <p>白菜表达谱芯片</p> <p>Cabbage 44446 个 EST, 来源 NCBI, 可选择设计, Chinese Cabbage 170148 个 EST, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 西瓜 | <p>西瓜表达谱芯片</p> <p>12548 EST, 来源 NCBI, 可选择设计</p> |
| 甜瓜 | <p>甜瓜表达谱芯片</p> <p>130179 EST, 656 Gene, 来源 NCBI, 可选择设计</p> |
| 甘薯 | <p>甘薯表达谱芯片</p> <p>23991 个 EST 序列, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 草莓 | <p>草莓表达谱芯片,</p> <p>59242 个 EST 序列, 164 个 Gene, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 豇豆 | <p>豇豆表达谱芯片,</p> <p>15365 个 UniGene, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 萝卜 | <p>萝卜表达谱芯片</p> <p>radish 表达谱芯片, 17188 个 UniGene, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 茄子 | <p>茄子表达谱芯片,</p> <p>8218 个 UniGene, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 黄瓜 | <p>黄瓜表达谱芯片</p> <p>19916 个 EST 序列, 392Gene, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |
| 辣椒 | <p>辣椒表达谱芯片</p> <p>8731 UniGene, 来源 NCBI, 可选择设计。</p> |

| | |
|----|---|
| 桃 | 桃表达谱芯片 7662 个 UniGene, 167 个 Gene, 来源 NCBI, 可选择设计。 |
| 苹果 | 苹果表达谱芯片 23794 UniGene, 2167 Gene, 来源 NCBI, APPLE |
| 梨 | 梨表达谱芯片 2270 EST, 80 Gene, PEAR |
| 杏 | 杏表达谱 15388 EST, 95 Gene, apricot, |
| 桑树 | 桑树表达谱芯片 3332 个 EST 序列, 来源 NCBI, 可选择设计。 |

人

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® Human Genome U133 Plus 2.0 Array

芯片介绍: 此款芯片包含了 47,000 个转录本, 代表了 38,500 个明晰的人类基因。数据库来源于 GeneBank、dbEST、RefSeq、UniGene database(Build 159 January 25 2003)、Washington University EST trace repository、NCBI human genome assembly(Build 31)。

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® Human Exon 1.0ST Array

芯片介绍: Affymetrix 全转录本表达谱芯片产品, 约有 4 个探针来针对每个外显子 / 约有 40 个探针来针对每个基因, 覆盖经验性及预测的外显子序列。

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® Human Gene 1.0ST Array

芯片介绍: Affymetrix 新款表达谱芯片产品, 覆盖全转录本, 每个基因用大约 25 个探针来检测, 对 28,869 个功能明确基因表达情况进行检测。

Phalanx 人表达谱芯片

参考国际公认之 RefSeq 及 Ensembl 序列数据库, 设计长链 60 个碱基寡核酸 (sense-strand) 的人类表达谱基因探针, 内容以蛋白质编码基因 (protein-coding gene) 为主, 除了提高整体的基因覆盖率外, 更完整的覆盖与生理途径反应相关的基因, 并且每一个探针对其源数据库的目标基因皆具高度专一性, 避免非目标基因的杂交影响。基因探针设计数据库: - RefSeq release 38, - Ensembl release 56, 基因探针数 29,187 个, 控制探针数 1,088, 总探针数 30,275 个。

Roche NimbleGen 人(Human)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 人(Human)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 44049 个基因

Roche NimbleGen 人(Human)表达谱芯片 4x72K 服务

Roche NimbleGen 人(Human)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 24000 个基因

小鼠

Affymetrix 小鼠表达谱芯片服务

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® Mouse Genome 430 2.0 Array

芯片介绍: Affymetrix 小鼠基因组 430 2.0 芯片涵盖了 39,000 个转录本, 代表 34,000 个明晰的小鼠基因。序列信息基于 GeneBank、dbEST、RefSeq、UniGene database。

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® Mouse Exon 1.0ST Array

芯片介绍: Affymetrix 全转录本表达谱芯片产品, 约有 4 个探针来针对每个外显子 / 约有 40 个探针来针对每个基因, 覆盖经验性及预测的外显子序列。

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® Mouse Gene 1.0ST Array

芯片介绍: Affymetrix 新款表达谱芯片产品, 覆盖全转录本, 每个基因用大约 25 个探针来检测, 对 28,853 个功能明确基因表达情况进行检测。

Agilent Mouse Genome, Whole 小鼠全基因组

小鼠是最广泛地应用于生物学研究的模式动物之一。安捷伦的小鼠全基因组表达谱芯片真正代表小鼠基因组中所有已知基因及其产生的转录本, 代表了超过 41,174 个小鼠基因和转录本。设计该产品所用的序列信息源于对 UCSC、NIA、RefSeq、Ensembl、Unigene 和 RIKEN 等知名数据库的深入研究, 而且绝大多数探针经过安捷伦专利的实验验证程序的检验和优化。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地实现高质量的微阵列分析, 用目前最好的结果获得未来的新发现。

Phalanx 小鼠表达谱芯片

参考国际公认之 RefSeq 42 及 Ensembl 59 序列数据库，设计长链 60 个碱基寡核酸 (sense-strand) 的基因探针，内容以蛋白质编码基因 (protein-coding gene) 为主，提高整体的基因覆盖率外与提供完整的生理途径反应相关的基因，并且每一个探针对其源数据库的目标基因皆具高度专一性，避免非目标基因的杂交影响。基因探针设计数据库：- RefSeq release 42, - Ensembl release 59, 基因探针数 26,423 个，控制探针数 872，总探针数 27,295 个。

Roche NimbleGen 小鼠(Mouse)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 小鼠(Mouse)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 44170 个基因

Roche NimbleGen 小鼠(Mouse)表达谱芯片 4x72K 服务

Roche NimbleGen 小鼠(Mouse)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 18869 个基因

小鼠发育 **Agilent Mouse Development 小鼠发育表达谱芯片**

小鼠是最广泛地应用于生物学的模式动物之一。安捷伦的小鼠发育表达谱芯片是业界第一款依据 NIA 基因目录信息，专为干细胞和发育相关研究精心设计的商业化芯片。

大鼠 **Affymetrix 大鼠表达谱芯片服务**

Affymetrix GeneChip® Rat Genome 230 2.0 Array

芯片介绍：Affymetrix 大鼠基因组 230 2.0 芯片包含有 31,000 个 probe sets，代表 28,000 个明晰的大鼠基因。序列信息基于 GenBank, dbEST, RefSeq 等权威数据库。

Affymetrix GeneChip® Rat Exon 1.0ST Array

芯片介绍：Affymetrix 全转录本表达谱芯片产品，约有 4 个探针来针对每个外显子 / 约有 40 个探针来针对每个基因，覆盖经验性及预测的外显子序列。

Affymetrix GeneChip® Rat Gene 1.0ST Array

芯片介绍：Affymetrix 新款表达谱芯片产品，覆盖全转录本，每个基因用大约 25 个探针来检测，对 27,342 个功能明确基因表达情况进行检测。

Agilent Rat Genome, Whole 大鼠全基因组

安捷伦的大鼠全基因组表达谱芯片真正代表大鼠基因组中所有已知基因及其产生的转录本，代表了超过 41,012 个大鼠基因和转录本。设计该产品所用的序列信息源于对 RefSeq、Ensembl、Unigene 和 GenBank 等知名数据库的深入研究，而且绝大多数探针经过安捷伦专利的实验验证程序的检验和优化。对研究者而言，这意味着他们可以方便地实现高质量的微阵列分析，用目前最佳的结果获得未来的新发现。

Phalanx 大鼠表达谱芯片

参考国际公认之 RefSeq 及 Ensembl 序列数据库，设计长链 60 个碱基寡核酸 (sense-strand) 的基因探针，内容主要以蛋白质编码基因 (protein-coding gene) 为主，提供高基因覆盖率并且每一个探针对其源数据库的目标基因皆具高度专一性，避免非目标基因的杂交影响。基因探针设计数据库：- RefSeq release 42, - Ensembl release 59, 基因探针数 24,358 个，控制探针数 980，总探针数 25,338。

Roche NimbleGen 大鼠(Rat)表达谱芯片 12x135K 服务

| | |
|-----|--|
| | <p>Roche NimbleGen 大鼠(Rat)表达谱芯片 4x72K 服务</p> <p>Roche NimbleGen 大鼠(Rat)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 26208 个基因</p> |
| 猪 | <p>Affymetrix 猪表达谱芯片服务</p> <p>Affymetrix GeneChip® Porcine Genome Array</p> <p>芯片介绍: 猪 (Sus Scrofa) 是人类重要的肉食来源, 也是用于肥胖, 心血管类疾病和器官移植相关研究的重要模式生物。Affymetrix 猪基因组芯片包含 23,937 个探针组, 涵盖了 23,256 个转录本, 代表 20,201 个基因。</p> <p>Agilent 猪寡聚 DNA 芯片 (4x44K)</p> <p>猪 (Sus Scrofa) 是人类重要的肉食来源, 也是用于肥胖, 心血管类疾病和器官移植相关研究的重要模式生物。安捷伦的猪全基因组表达谱芯片代表了超过 42,034 个基因和转录本。设计该产品所用的序列信息源于 RefSeq、Unigene 和 TIGR 等知名数据库。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地实现高质量的微阵列分析, 用目前最佳的结果获得未来的新发现。</p> |
| 犬/狗 | <p>Affymetrix 犬表达谱芯片服务</p> <p>Affymetrix GeneChip® Canine Genome 2.0 Array</p> <p>芯片介绍: 犬是人类疾病医学研究的重要模式生物。Affymetrix 犬基因组芯片 2.0 可使研究者同时研究 18,000 个家犬 (C. familiaris) 转录本和超过 20,000 条非冗余预测基因。</p> <p>Agilent 犬寡聚 DNA 芯片 2 (4x44K)</p> <p>安捷伦的狗全基因组表达谱芯片 (V2) 所用的序列信息源于 RefSeq、Unigene、Ensembl 和 TIGR 等知名数据库的最新数据, 代表了超过 42,034 个狗基因和转录本。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析, 在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。</p> |
| 马 | <p>Agilent 马寡聚 DNA 芯片 (4x44K)</p> <p>安捷伦的马 (Equus caballus) 全基因组表达谱芯片代表了超过 42,034 个基因和转录本, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq、UCSC 和 Ensembl 等知名数据库的最新数据。</p> |
| 兔 | <p>Agilent 兔寡聚 DNA 芯片 (4x44K)</p> <p>安捷伦的兔全基因组表达谱芯片代表了数万个个基因和转录本, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq、Ensembl 和 Unigene 等知名数据库的最新数据。</p> |
| 羊 | <p>Agilent 羊寡聚 DNA 芯片 (8x15K)</p> <p>安捷伦的绵羊全基因组表达谱芯片代表了超过 15,200 个基因和转录本, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq 和 Unigene 数据库。</p> |
| 牛 | <p>Affymetrix 牛表达谱芯片服务</p> <p>Affymetrix GeneChip® Bovine Genome Array</p> <p>芯片介绍: Affymetrix 牛基因组芯片覆盖了 23,000 个转录本。可帮助研究者研究诸如牛的疾病抗性、肉奶产量等课题。</p> |

恒河猴

Affymetrix 恒河猴表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® Rhesus Macaque Genome Array**

芯片介绍: 恒河猴 (*Macaca mulatta*) 是用于研究诸人类疾病的重要模式生物。该款芯片涵盖了 47,000 个转录本。序列信息来源于 Rhesus Macaque Whole Genome Shotgun Assembly (October 1, 2004)、GenBank(March 30, 2005)。

Agilent 恒河猴寡聚 DNA 芯片 (4x44K)

猕猴 (*Macaca mulatta*) 是用于研究诸如免疫缺陷性病毒和流感之类重大人类疾病的通用灵长类模式生物。安捷伦的猕猴全基因组表达谱芯片代表了超过 18,000 个基因和转录本, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 GenBank 和 TIGR 数据库。

鸡

Affymetrix 鸡表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® Chicken Genome Array**

芯片介绍: 该款鸡基因组芯片是用于鸡基因组研究以及鸡病毒性病原体研究的重要工具。芯片覆盖 32,773 个转录本, 可同时检测 28,000 条基因。该款芯片还包含 689 个探针组可检测来自 17 种鸟类病毒的 684 个转录本。

非洲爪蟾

Affymetrix 非洲爪蟾表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® Xenopus laevis Genome 2.0 Array**

芯片介绍: 非洲爪蟾, *Xenopus laevis*, 是一种重要的用于发育生物学相关研究的模式生物。AAffymetrix 非洲爪蟾基因组芯片 2.0 可检测非洲爪蟾的全基因组表达情况。该款芯片包含 32,400 个探针组, 代表超过 29,900 个非洲爪蟾转录本。序列信息来源于 X. laevis UniGene build 69 (July 2006) 以及 GenBank® mRNAs (September 12, 2006)

Agilent 非洲蟾蜍寡聚 DNA 芯片 (4x44K)

非洲蟾蜍, *Xenopus laevis*, 是一种重要的用于发育生物学相关研究的模式生物。安捷伦的蛙全基因组表达谱芯片所用的序列信息来自于 TIGR 和 Unigene 数据库, 代表了超过 21,495 个基因和转录本。对研究者而言, 这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析, 在生殖, 发育和药物研究诸多领域获得新发现。

斑马鱼

Affymetrix 斑马鱼表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® Zebrafish Genome Array**

芯片介绍: Affymetrix 斑马鱼基因组芯片覆盖超过 4,900 个转录本。序列信息来源于 RefSeq (July 2003), GenBank (release -36.0, June 2003), dbEST (July 2003) 以及 UniGene (Build 54, June 2003)。

Agilent 斑马鱼寡聚 DNA 芯片 (4x44K)

斑马鱼 (*Danio rerio*) 是用于研究脊椎动物发育和遗传的重要模式生物。安捷伦的斑马鱼全基因组表达谱芯片代表了超过 43,000 个斑马鱼基因和转录本, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq、Ensembl、Unigene、UCSC 和 TIGR 等知名数据库。

Roche NimbleGen 斑马鱼(Zebrafish)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 斑马鱼(Zebrafish)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 38489 个基因

三文鱼

Agilent 三文鱼寡聚 DNA 芯片 (4x44K)

安捷伦的三文鱼全基因组表达谱芯片代表了超过 42,034 个基因和转录本，可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq、TIGR 和 Unigene 等知名数据库的最新数据。

表达谱

动物类

果蝇

Affymetrix 果蝇表达谱芯片服务

Affymetrix GeneChip® Drosophila Genome 2.0 Array

芯片介绍：Affymetrix 果蝇基因组芯片 2.0 可用于研究黑腹果蝇（*Drosophila melanogaster*）基因组表达。该款芯片包含 18,880 个探针组，可用于分析超过 18,500 个转录本。

Agilent 果蝇寡聚 DNA 芯片（4x44K）

果蝇是用于发育生物学和分子遗传学研究的最佳模式生物之一。安捷伦的果蝇全基因组表达谱芯片代表了超过 13,936 个果蝇基因和转录本，所用的序列信息来自于 FlyBase、BDGP、Ensembl、UCSC、TIGR 和 Unigene 等知名数据库的最新数据。

Roche NimbleGen 黑腹果蝇(D. melanogaster)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 黑腹果蝇(D. melanogaster)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 16637 个基因

Roche NimbleGen 黑腹果蝇(D. melanogaster)表达谱芯片 4x72K 服务

Roche NimbleGen 黑腹果蝇(D. melanogaster)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 15473 个基因

蚊子

Agilent 蚊子寡聚 DNA 芯片（4x44K）

安捷伦的蚊子（*Anopheles gambiae*）全基因组表达谱芯片代表了超过 26,000 个基因和转录本，可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。本款芯片所用的序列信息源于 RefSeq、UCSC、Ensembl 和 Unigene 等知名数据库的最新数据。

线虫

Affymetrix 线虫表达谱芯片服务

Affymetrix *C. elegans* Genome Array

芯片介绍：线虫（*Caenorhabditis elegans*）是用于发育，生殖和衰老相关研究的最佳模式生物之一。该款全基因组芯片涵盖了 22,500 个转录本。

Agilent 线虫寡聚 DNA 芯片（4x44K）

线虫是用于发育，生殖和衰老相关研究的最佳模式生物之一。安捷伦的线虫全基因组表达谱芯片所用的序列信息来自于 RefSeq、WormBase、UCSC、TIGR 和 Unigene 等知名数据库，代表了数万个基因和转录本。对研究者而言，这意味着他们可以方便地利用高质量的微阵列分析，在诸多领域获得新发现。

Roche NimbleGen 线虫(C. elegans)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 线虫(C. elegans)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 23187 个基因

Roche NimbleGen 线虫(C. elegans)表达谱芯片 4x72K 服务

Roche NimbleGen 线虫(C. elegans)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 23336 个基因

蜜蜂

蜜蜂表达谱芯片

24394 个 UniGene, 14730Gene, 来源 NCBI, 可选择设计,

| | |
|--------|---|
| 茧蜂科 | 茧蜂科 <i>Braconidae</i> 表达谱芯片 9303EST 序列, 来源 NCBI, 可选择设计。 |
| 姬蜂科 | 姬蜂科表达谱芯片 2345 个 EST 序列, 来源 NCBI, 可选择设计。 |
| 弹尾虫/跳虫 | 弹尾虫/跳虫表达谱芯片 28494 个 EST 序列, <i>Onychiurus arcticus</i> (16379), <i>Folsomia candida</i> (8686), <i>Cryptopygus antarcticus</i> (3429), 来源 NCBI, 可选择设计。 |
| 蚜虫 | 蚜虫 <i>aphid</i> 表达谱芯片 21414 个 Gene, 来源 NCBI, 可选择设计。 |
| 褐飞虱 | 褐飞虱 <i>Nilaparvata lugens</i> 表达谱芯片 113805 EST 序列, 来源 NCBI, 可选择设计。 |
| 烟粉虱 | 烟粉虱 <i>Bemisia tabaci</i> 表达谱芯片 9281 个 EST 序列, |
| 白蚁 | 白蚁表达谱芯片 6789 个 Gene, |
| 玉米螟 | 玉米螟 <i>Ostrinia nubilalis</i> 表达谱芯片 12519 个 EST 序列, |
| 蚕 | 蚕表达谱芯片 12467 个 UniGene, 2380 个 Gene, 来源 NCBI, 可选择设计。 |

表达谱

动物类

疟原虫/疟蚊

Affymetrix 疟原虫/疟蚊表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® Plasmodium/Anopheles Genome Array**

芯片介绍: Affymetrix 疟原虫/疟蚊基因组芯片包含超过 4,300 个疟原虫 (Plasmodium) 转录本和 14,900 个疟蚊 (Anopheles gambiae) 转录本。序列信息来源于 PlasmodB (version 4.1, June 2003)、GenBank、dbEST 和 Ensembl (Build 2, 2003)。

酵母

Affymetrix 酵母表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® Yeast Genome Array**

该芯片包括了检测 *S. cerevisiae* 的 5841 个基因的探针, 也包括了检测 *S. pombe* 全部 5031 个基因的探针。该芯片可以灵敏的检测出两种酵母的差异同时也能检测出和这两种酵母亲缘关系密切的品种。

Agilent 酵母寡聚 DNA 芯片 V2 (4x44K)

模式生物酵母 (*Saccharomyces Cerevisiae*) 的许多基因和人类等高等生物具有很高的同源性。安捷伦的酵母全基因组表达谱芯片(V2)代表了超过 6,200 个开放读码框, 可以帮助科学家在全基因组水平对未知基因的生物学功能获得新发现。

Roche NimbleGen 酿酒酵母(*S. cerevisiae*)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 酿酒酵母(*S. cerevisiae*)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 5777 个基因

Roche NimbleGen 裂殖酵母(*S. pombe*)表达谱芯片 12x135K 服务

Roche NimbleGen 裂殖酵母(*S. pombe*)表达谱芯片 12x135K 服务 12*135K 4942 个基因

Roche NimbleGen 酿酒酵母(*S. cerevisiae*)表达谱芯片 4x72K 服务

Roche NimbleGen 酿酒酵母(*S. cerevisiae*)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 5849 个基因

Roche NimbleGen 裂殖酵母(*S. pombe*)表达谱芯片 4x72K 服务

Roche NimbleGen 裂殖酵母(*S. pombe*)表达谱芯片 4x72K 服务 4*72K 4977 个基因

大肠杆菌

Affymetrix 大肠杆菌表达谱芯片服务**Affymetrix GeneChip® E.coli Genome Array**

该芯片可以检测大肠杆菌 K12 菌株和 O157: H7-Sakai、O157: H7-EDL933 和 CFT073 三个致病菌株, 对应了上述四菌株 20366 个基因。

Agilent 大肠杆菌寡聚 DNA 芯片 (8x15K)

大肠杆菌是用于微生物研究的最重要的模式生物。安捷伦的大肠杆菌全基因组表达谱芯片代表了超过全部 5,000 个大肠杆菌基因, 所用的序列信息来自于 TIGR 数据库的最新数据。

金黄色葡萄球菌

金黄色葡萄球菌表达谱芯片服务

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® *S. aureus* Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 金黄色葡萄球菌基因组芯片可用于检测金黄色葡萄球菌的四种菌株, 分别为 N315 (National Institute of Technology and Evaluation, Japan), Mu50 (National Institute of Technology and Evaluation, Japan), NCTC 8325 (University of Oklahoma), 以及 COL (TIGR)。该款芯片包含 3,300 个 ORF 和 4,800 个基因间隔区序列。

绿脓杆菌

绿脓杆菌表达谱芯片服务

芯片推荐: Affymetrix GeneChip® *P. aeruginosa* Genome Array

芯片介绍: Affymetrix 绿脓杆菌基因组芯片包含的探针组可用于检测绿脓杆菌 PA01 菌株的基因组表达情况, 该款芯片覆盖了 5,549 个蛋白质编码序列, 18 tRNA 基因以及 117 个其它菌株相关基因。

稻瘟病菌

Agilent 稻瘟病菌寡聚 DNA 芯片 2.0 (4x44K)

稻瘟菌是导致水稻主要病害稻瘟病的原因, 是影响水稻产量乃至世界粮食安全的主要威胁。安捷伦的稻瘟菌全基因组表达谱芯片代表了超过 13,000 个稻瘟菌基因和转录本以及超过 7,000 个水稻基因, 能帮助科学家在全基因组水平对宿主和病原体同时进行研究

CGH 芯片

CGH

人

人

NimbleGen 人 CGH 芯片 4.2M,人比较基因组杂交芯片

Human CGH 4.2M Whole-Genome Tiling Array

Format: 4.2M

Source: UCSC

Build: HG19, NCBI 37

Version Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 284bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 1.4M,人全基因组 CGH 芯片

Human CGH 3x1.4M Whole-Genome Tiling Array

Format: 3x1.4M

Source: UCSC

Build: HG19, NCBI 37

Recommended Storage: Store arrays desiccated at room temperature

Version Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 941bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 2.1M,人比较基因组杂交芯片

Human CGH 2.1M Whole-Genome Tiling v2.0D Array

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 1169bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 720K,人全基因组 CGH 芯片

Human CGH 3x720K Whole-Genome Tiling v3.0 Array 3.0

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 2509bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 3x720K,人全基因组 CGH 芯片

Human CGH 3x720K Whole-Genome Tiling v2.0

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 3877bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 12x135K, 人全基因组 CGH 芯片

Human CGH 12x135K Whole-Genome Tiling v3.0 Array

Format: 12x135K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 12524bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 135K, 人全基因组 CGH 芯片

Human CGH 12x135K Whole-Genome Tiling v2.0 Array

Format: 12x135K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 21500bp

人 CGH 芯片 385K, 人比较基因组杂交芯片 V2

Human CGH 385K Whole-Genome Tiling v2.0 Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 7073bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 385K, 人比较基因组杂交芯片 V1

Human CGH 385K Whole-Genome Tiling v1.0 Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 6270bp

NimbleGen 人 CGH 芯片 4*72K, 人比较基因组杂交芯片 V1

Human CGH 4x72K Whole-Genome Tiling Array 2.0

Format: 4x72K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing 40046bp

人

NimbleGen 人 CGH 芯片外显子 3x720K

Human CGH 3x720K Whole-Genome Exon-Focused Array 1.0

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing Variable

人

NimbleGen 人 CNV 拷贝数变异芯片,人 CNV 芯片 2.1M

Human Copy Number Variation (CNV) CNV 2.1M v1.0 Array

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 1239bp

NimbleGen 人 CNV 拷贝数变异芯片,人 CNV 芯片 3x720K

Human Copy Number Variation (CNV) CNV 3x720K v1.0 Array

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 4750bp

NimbleGen 人染色体 CGH 芯片,人 CGH 染色体芯片

Human CGH 385K Chromosome-Specific Arrays

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

人

NimbleGen 细胞遗传芯片 CGX 芯片 CGX3

CGX-3 Array 1.0

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing Variable

NimbleGen 细胞遗传芯片 CGX 芯片 CGX6

CGX-6 Array 1.0

Format: 6x315K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing Variable

NimbleGen 细胞遗传芯片 CGX 芯片 CGX12

CGX-12 Array 1.0

Format: 12x135K

Source: UCSC

Build: HG18, NCBI 36

Version Probe Length 60mer Median Probe Spacing Variable

人 1 号染
色体

人染色体 CGH 芯片 1 号染色体,人 CGH 染色体芯片

Human CGH 385K Chromosome 1 Tiling Array

| | |
|---------|--|
| 人10号染色体 | 人染色体CGH芯片10号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 10 Tiling Array |
| 人11号染色体 | 人染色体CGH芯片11号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 11 Tiling Array |
| 人12号染色体 | 人染色体CGH芯片12号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 12 Tiling Array |
| 人13号染色体 | 人染色体CGH芯片13号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 13 Tiling Array |
| 人14号染色体 | 人染色体CGH芯片14号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 14 Tiling Array |
| 人15号染色体 | 人染色体CGH芯片15号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 15 Tiling Array |
| 人16号染色体 | 人染色体CGH芯片16号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 16 Tiling Array |
| 人17号染色体 | 人染色体CGH芯片17号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 17 Tiling Array |
| 人18号染色体 | 人染色体CGH芯片18号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 18 Tiling Array |
| 人19号染色体 | 人染色体CGH芯片19号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 19 Tiling Array |
| 人2号染色体 | 人染色体CGH芯片2号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 2 Tiling Array |
| 人20号染色体 | 人染色体CGH芯片20号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 20 Tiling Array |
| 人21号染色体 | 人染色体CGH芯片21号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 21 Tiling Array |
| 人22号染色体 | 人染色体CGH芯片22号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 22 Tiling Array |
| 人3号染色体 | 人染色体CGH芯片3号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 3 Tiling Array |
| 人4号染色体 | 人染色体CGH芯片4号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 4 Tiling Array |
| 人5号染色体 | 人染色体CGH芯片5号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 5 Tiling Array |
| 人6号染色体 | 人染色体CGH芯片6号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 6 Tiling Array |
| 人7号染色体 | 人染色体CGH芯片7号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 7 Tiling Array |
| 人8号染色体 | 人染色体CGH芯片8号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 8 Tiling Array |
| 人9号染色体 | 人染色体CGH芯片9号染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome 9 Tiling Array |
| 人X号染色体 | 人染色体CGH芯片X染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome X Tiling Array |
| 人Y号染色体 | 人染色体CGH芯片Y染色体,人CGH染色体芯片 Human CGH 385K Chromosome Y Tiling Array |

| | |
|-----|--|
| 线虫 | <p>NimbleGen 线虫 CGH 芯片,线虫比较基因组杂交芯片 C. elegans CGH 385K Whole-Genome Tiling Arrays Format: 385K Source: UCSC Build: CE2, WS120 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 137bp</p> |
| 鸡 | <p>NimbleGen 鸡 CGH 芯片,鸡比较基因组杂交芯片 Chicken CGH 385K Whole-Genome Tiling Arrays Format: 385K Source: UCSC Build: galGal3 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 2586bp</p> <p>鸡基因组 CGH 芯片, 鸡比较基因组杂交芯片 Chicken Genome CGH Microarray Kit 244A Distinct Biological Features 235,980 Composition Content sourced from - UCSC galGal3 (WUSTL Build 2.1) May 2006) Probe Spacing 4 kb overall median probe spacing</p> |
| 牛 | <p>NimbleGen 牛 CGH 芯片,牛比较基因组杂交芯片 Cow CGH 385K Whole-Genome Tiling Arrays Format: 385K Source: Bovine Genome Project (Baylor College of Medicine) Build: Btau3.1 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 5779bp</p> |
| 果蝇 | <p>NimbleGen 果蝇 CGH 芯片,果蝇比较基因组杂交芯片 D. melanogaster CGH 385K Whole-Genome Tiling Arrays Format: 385K Source: UCSC Build: DM2, April 2004 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 308bp</p> |
| 犬/狗 | <p>NimbleGen 狗 CGH 芯片,犬 CGH 芯片,狗比较基因组杂交芯片 Dog CGH 385K Whole-Genome Tiling Arra Format: 385K Source: NCBI Build: canFam2, May 2005 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 4675bp</p> |

恶性疟原虫 NimbleGen 恶性疟原虫 CGH 芯片 385K

P. falciparum CGH 385K Whole-Genome Tiling Array
 Format: 385K
 Source: NCBI
 Build: Dec 2004
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 48bp

大鼠 NimbleGen 大鼠 CGH 芯片 385K

Rat CGH 385K Whole-Genome Tiling Array
 Format: 385K
 Source: Ensembl
 Build: RGSC 3.4, Ensembl July, 2005
 Probe Length 50-75mer pMedian Probe Spacing 5303b

啤酒酵母 NimbleGen 啤酒酵母 CGH 芯片 385K

S. cerevisiae CGH 385K Whole-Genome Tiling Array
 Format: 385K
 Source: UCSC
 Build: Oct 2003
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 12bp

粟酒裂殖酵母

NimbleGen 粟酒裂殖酵母 CGH 芯片 385K

S. pombe CGH 385K Whole-Genome Tiling Array
 Format: 385K
 Source: NCBI
 Build: Jun 2005
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 8bp

斑马鱼 NimbleGen 斑马鱼 CGH 芯片 385K

Zebrafish CGH 385K Whole-Genome Tiling Array
 Format: 385K
 Source: UCSC
 Build: danRer4
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 3525bp

牛 牛 CGH 芯片, 牛基因组 CGH 芯片

SurePrint G3 Bovine Genome CGH Microarray
 Distinct Biological Features 171,527 coding and noncoding bovine sequences
 Composition Content sourced from - UCSC bosTau4 (October 2007)
 Probe Spacing 11.0 KB overall median probe spacing

| | |
|-----|--|
| 猪 | <p>猪 CGH 芯片, 猪基因组 CGH 芯片</p> <p>SurePrint G3 Canine Genome CGH Microarray</p> <p>Distinct Biological Features 171,534 coding and noncoding canine sequences</p> <p>Composition Content sourced from - UCSC canFam2 (May 2006)</p> <p>Probe Spacing 2.7 kb overall median probe spatial resolution</p> |
| 黑猩猩 | <p>黑猩猩 CGH 芯片, 黑猩猩基因组 CGH 芯片, 黑猩猩比较基因组杂交芯片</p> <p>SurePrint G3 Chimpanzee Genome CGH Microarray</p> <p>Distinct Biological Features 171,524 coding and noncoding chimpanzee</p> <p>Composition Content sourced from - UCSC panTro2 (March 2006)</p> <p>Probe Spacing 12.7 kb overall median probe spatial resolution</p> |
| 水稻 | <p>水稻 CGH 芯片, 水稻基因组 CGH 芯片, 水稻比较基因组杂交芯片</p> <p>SurePrint G3 Rice Genome CGH Microarray</p> <p>Format 4 x 180k</p> <p>Distinct Biological Features 171,861 coding and noncoding Oryza</p> <p>Composition Content sourced from - RGSP Build5 (June 2008)</p> <p>Probe Spacing 14.9 kb overall median probe spatial resolution</p> |
| 恒河猴 | <p>恒河猴 CGH 芯片, 恒河猴基因组 CGH 芯片, 恒河猴比较基因组杂交芯片</p> <p>SurePrint G3 Rhesus Macaque Genome CGH Microarray</p> <p>Format 4 x 180k</p> <p>Distinct Biological Features 171,495 coding and noncoding Rhesus macaque</p> <p>Composition Content sourced from - UCSC rheMac2 (January 2006)</p> <p>Probe Spacing 14.9 kb overall median probe spatial resolution</p> |
| 小鼠 | <p>NimbleGen 小鼠 CGH 芯片 4x720K, 小鼠比较基因组杂交芯片 V1</p> <p>Mouse CGH 3x720K Whole-Genome Tiling Array</p> <p>Format: 3x720K</p> <p>Source: UCSC</p> <p>Build: MM9</p> <p>Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 3537bp</p> <p>NimbleGen 小鼠 CGH 芯片 385K, 小鼠比较基因组杂交芯片 V1</p> <p>Mouse CGH 385K Whole-Genome Tiling Array</p> <p>Format: 385K</p> <p>Source: UCSC</p> <p>Build: MM8, NCBI 36</p> <p>Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 5782bp</p> |

甲基化芯片

Methylation Microarray

甲基化

人

人 人甲基化芯片 2.1M,人全基因组甲基化芯片,
Human DNA Methylation 2.1M Whole-Genome Tiling - 10 Array Set
Format: 2.1M
Source: UCSC
Build: HG18
Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp

人甲基化芯片 2.1M 经济型,人全基因组甲基化芯片
Human DNA Methylation 2.1M Economy Whole-Genome Tiling - 4 Array Set
Format: 2.1M
Source: UCSC
Build: HG18
Probe Length 75mer Median Probe Spacing 50- 205bp

人启动子 人甲启动子甲基化芯片,2.1M

Human DNA Methylation 2.1M Deluxe Promoter v2 Array
Format: 2.1M
Source: UCSC
Probe Length: 50-75mer
Median Probe Spacing: 100bp
Build HG19 Promoter Upstream Tiling (bp) 8000** Promoter Downstream
Tiling (bp) 3000 Number of CpG Islands 27867 miRNA Promoters
730(-15kb to mature miRNA)

人启动子 人 CpG 岛加启动子甲基化芯片, 3x720K

Human DNA Methylation 3x720K CpG Island Plus RefSeq Promoter Array
Format: 3x720K
Source: UCSC
Build: HG18
Transcripts: 30,848
Promoters: 22,532
Number of CpG Islands: 27,728
Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 104bp Promoter Upstream
Tiling (bp) 2440 Promoter Downstream Tiling (bp) 610

人启动子甲基化芯片,人甲基化启动子区域芯片

Human DNA Methylation 385K Promoter - 2 Array Set
Format: 385K
Source: UCSC
Build: HG18
Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream
Tiling (bp) 3500 Promoter Downstream Tiling (bp) 750

人启动子甲基化芯片,人甲基化启动子区域 refseq 芯片
 Human DNA Methylation 385K RefSeq Promoter Array
 Format: 385K
 Source: UCSC
 Build: HG18
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream
 Tiling (bp) 2200 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

人启动子甲基化 RefSeq XM 芯片,384K, 甲基化芯片

Human DNA Methylation 385K RefSeq XM Promoter Array
 Format: 385K
 Source: UCSC
 Build: HG18
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream
 Tiling (bp) 9000 Promoter Downstream Tiling (bp) 2000

人 CpG 甲基化加启动子甲基化芯片

Human DNA Methylation 385K Promoter Plus CpG Island Array
 Format: 385K
 Source: UCSC
 Build: HG18
 Number of CpG Islands: 28,226
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 101bp Promoter Upstream
 Tiling (bp) 800 Promoter Downstream Tiling (bp) 200

人 CpG

人 CpG 岛甲基化芯片,人甲基化芯片
 Human CpG Island Microarray
 27,800 CpG islands covering 21 MB
 Enriched content sourced from UCSC hg18 (NCBI Build 36.1, March 2006)
 237,220 probes in or within 95bp of CpG Islands
 1x244K slide format printed using Agilent's 60-mer SurePrint technology
 5 slides per kit. Each slide contains one 244K microarray

人 HOX

人甲基化芯片 HOX 靶标芯片
 Human DNA Methylation 385K HOX Targeted Tiling Array
 Format: 385K
 Source: UCSC
 Build: HG17
 Probe Length 50mer Median Probe Spacing 5bp

人甲基化芯片非编码 RNA 启动子芯片

Human DNA Methylation 385K Non-Coding RNA Promoter Array
Format: 385K
非编码 Source: UCSC
RNA 启动 Build: HG18
子 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 50bp

甲基化

人

人 HG18 人编码 HG18 靶标甲基化芯片

Human DNA Methylation 385K ENCODE HG18 Targeted Tiling Array
Format: 385K
Source: UCSC
Build: HG18
Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 60bp Tiling Coverage
Tiles All ENCODE Regions

人编码 HG17 靶标甲基化芯片

Human DNA Methylation 385K ENCODE HG17 Targeted Tiling Array
Format: 385K
Source: UCSC
Build: HG17
Probe Length 50mer Median Probe Spacing 38bp Tiling Coverage
Tiles All ENCODE Regions

人编码 HG17 靶标甲基化芯片,4x72K

Human DNA Methylation 4x72K ENCODE HG17 Targeted Tiling Array
Format: 4x72K
Source: UCSC
Build: HG17
Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 105bp Tiling Coverage
Tiles biologically significant ENCODE Regions (HoxA, β -globin, Apo, among others)

人甲基化芯片,人 CpG 岛芯片

Human DNA Methylation Microarrays
27,627 expanded CpG islands and 5081 UMR regions
Probes annotated against UCSC HG18
237,227 biological probes, median probe spacing of 97bp
244K slide format printed using Agilent's 60-mer SurePrint technology
One slide per kit. Slide contains one 244K microarray.

人甲基化定制芯片

Custom DNA Methylation Microarrays - Human
Human Feature-annotated, 14.5 million probes tiled at ~100 bp hg18 Agilent

小鼠 小鼠甲基化芯片 2.1M,小鼠全基因组甲基化芯片

Mouse DNA Methylation 2.1M Whole-Genome Tiling - 10 Array Set
 Format: 2.1M
 Source: UCSC
 Build: MM9
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp

小鼠甲基化芯片 2.1M 经济型,小鼠全基因组甲基化芯片

Mouse DNA Methylation 2.1M Economy Whole-Genome Tiling - 4 Array Set
 Format: 2.1M
 Source: UCSC
 Build: MM9
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 255bp

启动子 小鼠启动子甲基化芯片

Mouse DNA Methylation 2.1M Deluxe Promoter v2 Array
 Format: 2.1M
 Source: UCSC
 Probe Length: 50-75mer
 Median Probe Spacing: 100bp
 Build MM9 Promoter Upstream Tiling (bp) 8000** Promoter Downstream
 Tiling (bp) 3000 Number of CpG Islands 15969 miRNA Promoters
 599 (-15kb to mature miRNA)

小鼠甲基化岛加启动区域甲基化芯片

Mouse DNA Methylation 3x720K CpG Island Plus RefSeq Promoter Array
 Format: 3x720K
 Source: UCSC
 Build: MM9
 Transcripts: 22,881
 Promoters: 20,404
 Number of CpG Islands: 15,980
 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream
 Tiling (bp) 2960 Promoter Downstream Tiling (bp) 740

小鼠甲基化芯片,启动子区域甲基化芯片 385K

Mouse DNA Methylation 385K Promoter - 2 Array Set

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3250 Promoter Downstream Tiling (bp) 750

甲基化

小鼠

小鼠启动子甲基化芯片,385k,

Mouse DNA Methylation 385K RefSeq Promoter Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 2000 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

小鼠 385K RefSeq XM 启动子区域甲基化芯片

Mouse DNA Methylation 385K RefSeq XM Promoter Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 7000 Promoter Downstream Tiling (bp) 2000

小鼠 CpG 甲基化加启动子甲基化芯片

Mouse DNA Methylation 385K Promoter Plus CpG Island Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Number of CpG Islands: 15,963

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing Promoter Upstream Tiling

(bp) 1300 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

CpG

小鼠 CpG 岛甲基化芯片

Mouse CpG Island Microarray

16,030 CpG islands

Enriched content sourced from UCSC mm9 (NCBI build 37, Jul 07), February 2006)

97,652 probes in or within 95bp of CpG Islands

2 x105K slide format printed using Agilent's 60-mer SurePrint technology

小鼠甲基化定制芯片

Custom DNA Methylation Microarrays - Mouse

Mouse Feature-annotated, 13 million probes tiled at ~119 bp mm8 Agilent

大鼠

大鼠甲基化芯片 2.1M

Rat DNA Methylation 2.1M Whole-Genome Tiling - 10 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: RN34

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp

大鼠甲基化芯片 2.1M 经济型

Rat DNA Methylation 2.1M Economy Whole-Genome Tiling - 4 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: RN34

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 250bp

大鼠 CpG 岛甲基化加启动区域甲基化芯片

Rat DNA Methylation 3x720K CpG Island Plus RefSeq Promoter Array

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: RN34

Transcripts: 15,600

Promoters: 15,287

Number of CpG Islands: 15,790

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3880 Promoter Downstream Tiling (bp) 970

大鼠启动子甲基化芯片

Rat DNA Methylation 385K Promoter - 2 Array Set

Format: 385K

Source: Ensemble

Build: RGSC3.4

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 105bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 4500 Promoter Downstream Tiling (bp) 1125

大鼠启动子

大鼠启动子甲基化芯片 refseq

Rat DNA Methylation 385K RefSeq Promoter Array

Format: 385K

Source: Ensemble

Build: RGSC3.4

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 105bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 2250 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

甲基化

大鼠

大鼠 CpG 大鼠 CpG 甲基化加启动子甲基化芯片

Rat DNA Methylation 385K Promoter Plus CpG Island Array

Format: 385K

Source: Ensembl

Build: RGSC 3.4

Number of CpG Islands: 15,809

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing Promoter Upstream Tiling

(bp) 1300 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

大鼠甲基化定制芯片

Custom DNA Methylation Microarrays - Rat

Rat Coordinate-annotated, 10 million probes tiled at ~120 bp rn3.1 Agilent

拟南芥

拟南芥甲基化芯片 385K,拟南芥全基因组甲基化芯片

A. thaliana DNA Methylation 385K Whole-Genome Tiling - 3 Array Set

Format: 385K

Source: NCBI

Build: TAIR6.0

Accession Numbers: NC_003070,NC_003071,
NC_003074,NC_003075,NC_003076

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 90bp

启动子

拟南芥启动子甲基化芯片 358K

A. thaliana DNA Methylation 385K Promoter - 2 Array Set

Format: 385K

Source: NCBI

Build: TAIR6.0

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 102bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3000 Promoter Downstream Tiling (bp) 750

拟南芥启动子甲基化芯片 358K

A. thaliana DNA Methylation 385K Minimal Promoter Array

Format: 385K

Source: NCBI

Build: TAIR6.0

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 102bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 1200 Promoter Downstream Tiling (bp) 300

拟南芥甲基化定制芯片

Custom DNA Methylation Microarrays - Arabidopsis

Arabidopsis Coordinate-annotated, 735 thousand probes tiled at ~100 bp Ath1
Agilent

| | |
|-----|---|
| 狗/犬 | <p>狗编码靶标甲基化芯片,狗甲基化芯片,ENCODE CF 甲基化芯片</p> <p>Dog DNA Methylation 385K ENCODE CF2 Targeted Tiling Array</p> <p>Format: 385K</p> <p>Source: UCSC</p> <p>Build: CF2</p> <p>Probe Length 50mer Median Probe Spacing 45bp Tiling Coverage Tiles All ENCODE Regions</p> |
| 定制 | <p>全物种 CGH 定制芯片,自定义 aCGH 芯片 2.1M</p> <p>Custom DNA Methylation 2.1M Array</p> <p>Format: 2.1M</p> <p>Source: Customer-defined</p> <p>Build: Customer-defined</p> <p>Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing Uniform or mixed-density Design Options</p> <p>Whole-genome, single or multiple chromosomal regions per array.</p> |
| 线虫 | <p>线虫甲基化定制芯片</p> <p>Custom DNA Methylation Microarrays - C. elegans</p> <p>C. elegans Coordinate-annotated, 718 thousand probes tiled at ~100 bp Ce2 Agilent</p> |
| 果蝇 | <p>果蝇甲基化定制芯片</p> <p>Custom DNA Methylation Microarrays - Drosophila</p> <p>Drosophila Coordinate-annotated, 447 thousand probes for whole genome with ~100bp spacing Dm2 Agilent</p> |
| 酵母 | <p>酵母甲基化定制芯片</p> <p>Custom DNA Methylation Microarrays - Arabidopsis</p> <p>S. cerevisiae Feature-annotated. Whole genome with ~9 bp spacing SacCer1 Agilent</p> <p>S. pombe Coordinate-annotated, whole genome - Agilent</p> |

染色质免疫共沉淀芯片

ChIP-chip

人

人

人全基因组染色质免疫共沉淀芯片,人 chip 芯片 2.1M

Human ChIP-chip 2.1M Whole-Genome Tiling - 10 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: HG18 Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp

人全基因组染色质免疫共沉淀芯片,人 chip 芯片经济型 2.1M

Human ChIP-chip 2.1M Economy Whole-Genome Tiling - 4 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: HG18

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 205bp

人 ENCODE ChIP-chip 芯片,人启动染色质免疫共沉淀 ENCODE,

Human ENCODE ChIP-on-chip Microarray

153,000+ probes total represented within specific ENCODE regions of chromosomes 1-22

Each Human ENCODE microarray is optimized using validated probes proven to deliver the robust hybridization and optimal binding critical to reliable data.

1x244K slide format printed using Agilent's 60-mer SurePrint technology

Slide contains one 244K microarray

启动子

人启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, 2.1M

Human ChIP-chip 2.1M Deluxe Promoter v2 Array

Format: 2.1M

Source: UCSC

Probe Length: 50-75mer

Median Probe Spacing: 100bp

Build HG19 Promoter Upstream Tiling (bp) 8000** Promoter Downstream

Tiling (bp) 3000 Number of CpG Islands 27867 miRNA Promoters

730(-15kb to mature miRNA)

人启动子 ChIP-chip 芯片,人启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, 3x720K

Human ChIP-chip 3x720K RefSeq Promoter Array

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: HG18

Transcripts: 30,893

Promoters: 22,542

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3200 Promoter Downstream Tiling (bp)

800

ChIP-chip

人

人启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, 385K

Human ChIP-chip 385K Promoter - 2 Array Set

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 102bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3500 Promoter Downstream Tiling (bp) 750

人启动子 ChIP-chip 芯片, refseq 385K

Human ChIP-chip 385K RefSeq Promoter Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 2200 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

人启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, refseq XM 385K

Human ChIP-chip 385K RefSeq XM Promoter Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 9000 Promoter Downstream Tiling (bp) 2000

人 ChIP-chip 启动子芯片,人启动子区染色质免疫共沉淀,1M

SurePrint G3 Human Promoter Kit, 1x1M

Distinct Biological Features 966,092

Internal Quality Control 7,924

Genes Represented ~21,000 of the best-defined human genes as represented by RefSeq

Probe Spacing 75 KB overall median probe spacing (higher in ISCA regions)

Composition Content sourced from - UCSC hg19 (NCBI Build 36, February 2009)

人 ChIP-chip 启动子芯片,人启动子区染色质免疫共沉淀,2x400K

SurePrint G3 Human Promoter 2x400K Kit

Distinct Biological Features 414,043

Internal Quality Control 6,245

Genes Represented ~21,000 of the best-defined human genes as represented by RefSeq

Probe Spacing 172 bp overall median probe spacing

Composition Content sourced from - UCSC hg19 (NCBI Build 36, February 2009)

ChIP-chip

人

人 ChIP-chip 启动子芯片,人启动子区染色质免疫共沉淀,1x244K

Human Promoter Microarray Kit, 2-Design Set, 1x244K

Distinct Biological Features 243,504

Internal Quality Control 6,245

Genes Represented ~21,000 of the best-defined human genes as represented by RefSeq

Probe Spacing 172 bp overall median probe spacing

Composition Content sourced from - UCSC hg19 (NCBI Build 37, February 2009)

人 HOX 人 HOX 靶标 ChIP-chip 芯片,人染色质免疫共沉淀 HOX 靶标芯片

Human ChIP-chip 385K HOX Targeted Tiling Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG17

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 5bp

人非编码 RNA 靶标 ChIP-chip 芯片,人染色质免疫共沉淀非编码 RNA 靶标芯片

Human ChIP-chip 385K Non-Coding RNA Targeted Tiling Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 50bp

人 ENCODE HG18 靶标 ChIP-chip 芯片,人染色质免疫共沉淀编码 HG18 靶标芯片

Human ChIP-chip 385K ENCODE HG18 Targeted Tiling Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG18

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 60bp Tiling Coverage

Tiles All ENCODE Regions

人

ENCODE

人 ENCODE HG17 靶标 ChIP-chip 芯片

Human ChIP-chip 385K ENCODE HG17 Targeted Tiling Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: HG17

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 38bp Tiling Coverage
Tiles All ENCODE Regions

ChIP-chip

人

人 ENCODE HG17 靶标 ChIP-chip 芯片,4*72K

Human ChIP-chip 4x72K ENCODE HG17 Targeted Tiling Array

Format: 4x72K

Source: UCSC

Build: HG17

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 105bp Tiling Coverage

Tiles biologically significant ENCODE Regions (HoxA, β -globin, Apo, among others)

小鼠

小鼠启动子 ChIP-chip 芯片,2.1M

Mouse ChIP-chip 2.1M Deluxe Promoter v2 Array

Format: 2.1M

Source: UCSC

Probe Length: 50-75mer

Median Probe Spacing: 100bp

Build MM9 Promoter Upstream Tiling (bp) 8000** Promoter Downstream

Tiling (bp) 3000 Number of CpG Islands 15969 miRNA Promoters

599 (-15kb to mature miRNA)

小鼠启动子 ChIP-chip 芯片,3x720K

Mouse ChIP-chip 3x720K RefSeq Promoter Array

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: MM9

Transcripts: 22,881

Promoters: 20,404

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3200 Promoter Downstream Tiling (bp) 800

小鼠启动子 ChIP-chip 芯片,385K

Mouse ChIP-chip 385K Promoter - 2 Array Set

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 3250 Promoter Downstream Tiling (bp) 750

小鼠启动子 ChIP-chip 芯片,小鼠 chip 385K 芯片

Mouse ChIP-chip 385K RefSeq Promoter Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 2000 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

Mouse ChIP-chip 385K RefSeq XM Promoter Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter

Upstream Tiling (bp) 7000 Promoter Downstream Tiling (bp) 2000

ChIP-chip

小鼠

全基因组 小鼠全基因组染色质免疫共沉淀芯片,小鼠 chip 芯片 2.1M

Mouse ChIP-chip 2.1M Whole-Genome Tiling - 10 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp

小鼠全基因组染色质免疫共沉淀芯片,小鼠 chip 芯片经济型 2.1M

Mouse ChIP-chip 2.1M Economy Whole-Genome Tiling - 4 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: MM8

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 203bp

小鼠 ChIP-chip 启动子芯片,小鼠启动子区染色质免疫共沉淀, 1x1M

SurePrint G3 Mouse Promoter Microarray Kit, 1x1M

Composition Content sourced from

UCSC mm9 (NCBI Build 37), July 2007

小鼠 ChIP-chip 启动子芯片,小鼠启动子区染色质免疫共沉淀, 2x400K

SurePrint G3 Mouse Promoter Microarray Kit, 2x400K

Distinct Biological Features 415,814

Internal Quality Control 6,009

Genes Represented ~19,000 of the best-defined mouse genes as represented by RefSeq

Probe Spacing 93 bp overall median probe spacing

Composition Content sourced from

UCSC mm9 (NCBI Build 37), July 2007

小鼠 ChIP-chip 启动子芯片,小鼠启动子区染色质免疫共沉淀, 1x244K

SurePrint G3 Mouse Promoter Microarray Kit, 1x244K

Probes/Microarray ~17,000

Genes Represented ~19,000 of the best-defined mouse genes as represented by RefSeq

Composition Content sourced from
UCSC mm8 (NCBI Build 36)

ChIP-chip

小鼠

小鼠定制 ChIP 定制芯片, 小鼠 ChIP-chip 芯片, 小鼠启动染色质免疫共沉淀

Custom ChIP-on-chip Microarrays

Mouse Feature-annotated, 13 million probes tiled at ~119 bp mm8 Agilent

大鼠 大鼠全基因组染色质免疫共沉淀芯片,大鼠 chip 芯片 2.1M

Rat ChIP-chip 2.1M Whole-Genome Tiling - 10 Array Set

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: RN34

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp

大鼠启动子 ChIP-chip 芯片,大鼠启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, 大鼠 chip

3x720K 芯片

Rat ChIP-chip 3x720K RefSeq Promoter Array

Format: 3x720K

Source: UCSC

Build: RN34

Transcripts: 15,600

Promoters: 15,287

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 100bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 4280 Promoter Downstream Tiling (bp) 1070

大鼠启动子 ChIP-chip 芯片,大鼠启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, 大鼠 chip 385K 芯片

Rat ChIP-chip 385K Promoter - 2 Array Set

Format: 385K

Source: Ensemble

Build: RGSC3.4

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 105bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 4500 Promoter Downstream Tiling (bp) 1125

大鼠启动子 ChIP-chip 芯片,大鼠启动子区域染色质免疫共沉淀芯片, 大鼠 chip refseq 385K 芯片

Rat ChIP-chip 385K RefSeq Promoter Array

Format: 385K

Source: Ensemble

Build: RGSC3.4

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 105bp Promoter Upstream

Tiling (bp) 2250 Promoter Downstream Tiling (bp) 500

| | |
|-----|---|
| 拟南芥 | <p>拟南芥基因组 ChIP-chip 芯片</p> <p>A. thaliana ChIP-chip 385K Whole-Genome Tiling - 3 Array Set</p> <p>Format: 385K</p> <p>Source: NCBI</p> <p>Build: TAIR6.0</p> <p>Accession Numbers: NC_003070,NC_003071, NC_003074,NC_003075,NC_003076</p> <p>Probe Length 50mer Median Probe Spacing 90bp</p> |
| 启动子 | <p>拟南芥启动子 ChIP-chip 芯片</p> <p>A. thaliana ChIP-chip 385K Minimal Promoter Array</p> <p>Format: 385K</p> <p>Source: NCBI</p> <p>Build: TAIR6.0</p> <p>Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 102bp Promoter Upstream Tiling (bp) 1200 Promoter Downstream Tiling (bp) 300</p> <p>拟南芥启动子区域染色质免疫共沉淀芯片</p> <p>A. thaliana ChIP-chip 385K Promoter - 2 Array Set</p> <p>Format: 385K</p> <p>Source: NCBI</p> <p>Build: TAIR6.0</p> <p>Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 102bp Promoter Upstream Tiling (bp) 3000 Promoter Downstream Tiling (bp) 750</p> <p>拟南芥 ChIP-chip 芯片,拟南芥染色质免疫共沉淀,1x244K</p> <p>Arabidopsis Genome Microarray Kit, 2-Design Set, 1x244K</p> <p>Composition Content sourced from - Arabidopsis Ath2</p> <p>Probes Tiled across whole Arabidopsis genome with 212 nt average spacing</p> <p>ChIP 定制芯片, 拟南芥 ChIP-chip 定制芯片,拟南芥启动染色质免疫共沉淀</p> <p>Arabidopsis Coordinate-annotated, 735 thousand probes tiled at ~100 bp Ath1 Agilent</p> |
| 线虫 | <p>线虫基因组 ChIP-chip 芯片</p> |

C. elegans ChIP-chip 2.1M Whole-Genome Tiling Array

Format: 2.1M

Source: Wormbase

Build: WS180

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 40bp

ChIP-chip

动物

线虫全基因组染色质免疫共沉淀芯片,385K

C. elegans ChIP-chip 385K Whole-Genome Tiling - 3 Array Set

Format: 385K

Source: UCSC

Build: CE2

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 86bp

线虫 ChIP-chip 芯片,线虫染色质免疫共沉淀,1x244K

C. elegans Genome Microarray Kit, 2-Design Set, 1x244K

Composition Content sourced from

- C. elegans Ce2

Probes Tiled across whole Arabidopsis genome with 212 nt average spacing

ChIP 定制芯片, 线虫 ChIP-chip 定制芯片,线虫染色质免疫共沉淀

Custom ChIP-on-chip Microarrays Rat

C. elegans Coordinate-annotated, 718 thousand probes tiled at ~100 bp Ce2

Agilent

果蝇

果蝇基因组 ChIP-chip 芯片,果蝇 chip 芯片 2.1M

D. melanogaster ChIP-chip 2.1M Whole-Genome Tiling Array

Format: 2.1M

Source: UCSC

Build: DM5

Probe Length 50-75mer Median Probe Spacing 55bp

果蝇全基因组染色质免疫共沉淀芯片,果蝇 chip 芯片 385K

D. melanogaster ChIP-chip 385K Whole-Genome Tiling - 3 Array Set

Format: 385K

Source: UCSC

Build: DM2

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 97bp

果蝇 ChIP-chip 芯片,果蝇染色质免疫共沉淀,1x244K

Composition Content sourced from - DrosophilaDM2

Probes Tiled across whole Drosophila genome with 233 nt average spacing

Manufacturing Agilent 60-mer SurePrint technology

ChIP-chip

动、微

ChIP 定制芯片, 果蝇 ChIP-chip 定制芯片,果蝇启动子染色质免疫共沉淀

Custom ChIP-on-chip Microarrays Arabidopsis

Drosophila Coordinate-annotated, 447 thousand probes for whole genome with ~100bp spacing Dm2 Agilent

斑马鱼

斑马鱼 ChIP-chip 启动子芯片,斑马鱼启动子区染色质免疫共沉淀,1x244K

Zebrafish Promoter Microarray Kit, 2-Design Set, 1x244K

Composition Content sourced from

- Zebrafish zv4

Probes Probes tiled across Zebrafish promoter regions representing 11,000 transcripts

狗编码靶标 ChIP-chip 芯片,狗染色质免疫共沉淀芯片,ENCODE CF 靶标 chip 芯片

Dog ChIP-chip 385K ENCODE CF2 Targeted Tiling Array

Format: 385K

Source: UCSC

Build: CF2

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 45bp Tiling Coverage Tiles All ENCODE Regions

大肠杆菌

大肠杆菌全基因组染色质免疫共沉淀芯片,果蝇 chip 芯片 385K

E. coli ChIP-chip 385K Whole-Genome Tiling Array

Format: 385K

Source: RefSeq

Build: NC_000913.1

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 24bp

酿酒酵母

酿酒酵母全基因组染色质免疫共沉淀芯片,酿酒酵母 chip 芯片 385K

S. cerevisiae ChIP-chip 385K Whole-Genome Tiling Array

Format: 385K

Source: RefSeq

Build: sacCer1

Probe Length 50mer Median Probe Spacing 32bp

ChIP-chip 定制芯片,酿酒酵母

启动子染色质免疫共沉淀

Custom ChIP-on-chip Microarrays *S. cerevisiae*

S. cerevisiae Feature-annotated. Whole genome with ~9 bp spacing SacCer1
Agilent

S. pombe Coordinate-annotated, whole genome - Agilent

粟酒裂殖
酵母 ChIP-chip 定制芯片, 粟酒裂殖酵母
启动染色质免疫共沉淀

Custom ChIP-on-chip Microarrays *S. pombe*

S. cerevisiae Feature-annotated. Whole genome with ~9 bp spacing SacCer1
Agilent

S. pombe Coordinate-annotated, whole genome - Agilent

粟酒裂殖酵母 ChIP-chip 芯片, 4x44K

S. pombe Genome Microarray, 4x44K

Gene List Annotations Design Files Probe Sequences

Composition Content sourced from -

~85% of the non-repetitive portion of the *S.*

pombe genome (~12.5 MB)

Probes Average probe spatial resolution is ~290 nt

Manufacturing Agilent 60-mer SurePrint technology

酵母 酵母 ChIP-chip 芯片, 酵母染色质免疫共沉淀

Yeast Genome Microarray Kits

Composition Content sourced from

- *S. cerevisiae* sacCer1

Probes Average probe spatial resolution is ~290 nt (4 x 44K slide format) or ~50
nt (1 x 244k slide format)

ChIP-chip

酵母

SNP 芯片

SNP Microarray

SNP

人

人 Affymetrix 人类 SNP6.0 芯片 SNP 芯片

Genome-Wide Human SNP Array 6.0

Affymetrix 平台,SNP6.0 芯片含有超过 906,600 个 SNPs 以及超过 946,000 个用于检测拷贝数变异的探针。

产品名称: Human omni-1 quad beadchip

芯片信息: Human omni-1 quad 芯片数据来自于人类千人基因组计划测序结果。其中包含了超过 114 万个探针信息,可以在一张芯片上平行进行 4 个样本的检测。该款芯片包含针对基因 SNPs, 标签 SNPs, 拷贝数变化 (CNV), 及其他高价值的基因组区域设计探针。

标签 Tag SNPs: 根据 HapMap 挑选标签 SNP, 在 $r^2 > 0.8$ 前提下, Caucasian(CEU), Han Chinese/Japanese (CHB/JPT)和 Yoruba (YRI)人种中基因组覆盖率分别为 95%, 94%和 85%。提供了最大限度的基因组覆盖率, 在基因组中平均间隔为 2.4kb。

CNV 区域: 探针覆盖了 CNV 高发区域如片段复制区域, megasatellites, SNP 沙漠, MHC 区;覆盖 Database of Genomic Variants(DGV)数据库中已报导的 CNV 区域;特有探针覆盖 DGV 数据库中尚未报导的 CNV 区域。在超过 6,000 个常见及 5,000 个罕见的 CNV 区域内, 平均每个 CNV 区域分布 10-15 个位点, 平均 1.2 kb。

在该芯片所覆盖的 SNP 位点中有 18,000 个 SNP 覆盖了通过 GWAS 研究得到的与人类疾病相关的主要区域, 50,000 个非同义 SNPs, 有 62,000 个 SNPs 覆盖 100 个插入缺失周边区域。

ADME(Absorption, Distribution, Metabolism, Excretion)基因: 包含 ADME 基因中的 22,429 SNP。

MHC 区域: 包含 19,081 个 SNP 标记和 495 个 indel 标记。

性染色体: 27,493 个 X 染色体位点, 2,322 个 Y 染色体位点, 1,157 个伪常染色体区(PAR)SNP 位点。

线粒体 SNP: 27 mtSNP。

产品名称: Human omni-express beadchip

芯片信息: Human omni-express 芯片覆盖人类基因组计划 HapMap 三个阶段研究的数据, 针对基因 SNPs, 标签 SNPs, 拷贝数变化 (CNV), 及其他高价值的基因组区域设计探针。

共 700,000 多个位点, 每张芯片可同时检测 12 个样本。在 $r^2 > 0.8$ 前提下, 在 CEU, JPT+CHB, YRI 等人种中基因组覆盖率分别为: 0.91, 0.91, 0.68。CNV 区域平均间隔 4.0kb。

产品名称: Human1M-duo beadchip

芯片信息: Human 1M-duo 芯片中包含了超过一百万个探针信息, 可以在一张芯片上平行进行 2 个样本的检测。该款芯片包含针对基因 SNPs, 标签 SNPs, 拷贝数变化 (CNV), 及其他高价值的基因组区域设计探针, 同时还增加了一些新的位点, 如: 增加了疾病相关的 SNP 位点, 灵活的选择一些基因组编码区高密度的 SNP 位点。

标签 Tag SNPs: 根据 HapMap 挑选标签 SNP, 在 $r^2 > 0.8$ 前提下, Caucasian(CEU), Han Chinese/Japanese (CHB/JPT)和 Yoruba (YRI)人种中基因组覆盖率分别为 96%, 95%和 86%。提供了最大限度的基因组覆盖率, 在基因组中平均间隔为 2.4kb。

CNV 区域: 探针覆盖了 CNV 高发区域如片段复制区域, megasatellites, SNP 沙漠, MHC 区;覆盖 Database of Genomic Variants(DGV)数据库中已报导的 CNV 区域;特有探针覆盖 DGV 数据库中尚未报导的 CNV 区域。

ADME(Absorption, Distribution, Metabolism, Excretion)基因: 20,000 多个 SNPs 覆盖 300 多个与药物代谢相关的基因组区域。

MHC 区域: 包含 10,415 个 SNP 标记和 483 个 indel 标记。

性染色体: 45,591 个 X 染色体位点, 4,637 个 Y 染色体位点, 979 个伪常染色体区(PAR)SNP 位点。

产品名称: Human 660w-quad beadchip

芯片信息: 该款芯片在一张芯片上可平行进行 4 个样品的检测, 显著的增加了样本输出信息量, 减少了实验操作中的误差。该芯片广泛地采用了 HumanHap550 芯片的内容, 以及额外增加了 100,000 个遗传标记。Human 660w-quad 上的 SNPs 以约 5kb 的密度均匀分布在基因组上。针对于基因组中高多态性的 CNV 区域 (片段复制区和无 SNP 的基因组区域), Human 660w-quad 设计了一些特异的靶标来进行研究。

产品名称: HumanCytoSNP-12 beadchip

芯片信息: 包含 300,000 个遗传标记探针可检测与 300 多个综合症有关各种异常, 广泛覆盖 pericentromeric 区 (基因组结构中迅速改变的区域)、亚端粒区和性染色体, 特别还包括可检测 400 余个参与发育缺陷、智力迟钝和其他的结构性变化的基因相应探针。

产品名称: HumanCVD BeadChip

芯片信息: 包含 48,742 个 SNP 探针, 可检测 2100 余个与心血管疾病 (CVD) 相关候选基因。探针来源: 已发表科研文献、心血管疾病 (CVD) 通路分析以及最新全基因组关联分析的资料。

产品名称: 肿瘤相关 SNP 芯片 (Cancer Panel)

芯片信息: 选择约 400 个肿瘤相关基因的 >1400 个 SNP 标记, 信息来源于美国 NIHSNP500 肿瘤数据库 <http://snp500cancer.nci.nih.gov/>。

产品名称: DNA 质控芯片

芯片信息: 包含 360 个 SNP 位点, 可以在进行大位点实验之前对样品进行质控。

牛 牛 SNP 芯片服务**产品名称: illumina BovineSNP50 Genotyping BeadChip**

芯片信息: Illumina 公司与牛类研究专家联合开发出牛 SNP50 基因芯片, 该芯片含超过 54, 000 个靶 SNP 探针, SNP 信息来自 Illumina Genome Analyzer 测序结果和已发布的公共信息。该芯片可分析 12 个样本, 是分析牛基因变异的经济有效的实验手段。牛 SNP50 基因芯片 SNP 位点的平均间隔为 51.5kb, 相较于全基因组扫描, 鉴定数量性状位点, 比较遗传学等其他试验方法, 该方法的探针密度更高, 分析更有效。

猪 猪 SNP 芯片服务**产品名称: illumina PorcineSNP60 Genotyping BeadChip**

芯片信息: 猪 SNP60 基因分型芯片是通过 Illumina 的 iSelect 项目与国际领先研究协会合作开发。它包含超过 60000 个 SNP 位点, 以步长平均每 40kb 有一个标记, 覆盖猪的基因组。此 12 样本芯片整合了多种猪的基因差异, 包括杜洛克猪, 长白猪, 皮特兰猪和 大白猪, 其性价比高, 能提供足够的 SNP 密度, 可应用与全基因组关联研究或其他研究中, 如: 全基因组选择、测定遗传指数、鉴定数量性状位点、比较基因研究。

马 马 SNP 芯片服务**产品名称: illumina EquineSNP50 Genotyping BeadChip**

芯片信息: 该芯片含 54, 602 个 SNP 位点, 这些位点均一分布在 15 个品种马匹的全基因组序列上。芯片数据信息来自马基因组测序计划。马 SNP50 基因芯片 SNP 的平均间隔为 43.2kb。该基因芯片可同时检测 12 个样本, 为各种全基因组研究提供了可能, 例如基因关联研究和鉴定数量性状位点的研究。

狗**狗 SNP 芯片服务**

犬

产品名称: illumina CanineSNP20 Genotyping BeadChip

芯片信息: 犬 SNP20 基因芯片中含有大量信息的 SNP 探针, 平均间隔为 22362bp, 可以对任何一种家养犬类进行全基因组扫描。Illumina 公司通过与 CanFam2.0 合作, 挑选出高多态性位点以鉴定不同的家养犬类种群。如果 SNP 平均密度为 每兆 8 个位点, 那么该芯片可包含所有的种群关联研究位点。该芯片可同时检验 12 个样本, 大大节约了经费。采用 BeadArray 技术设计, 及无 PCR 步骤 的 Infinium 方法分析。芯片具有极好的基因覆盖率、callrate 值和重复率。

SNP

动、植

狗

/ **产品名称: illumina Canine HD Genotyping BeadChip**

犬

芯片信息: 高密度狗的基因分型芯片每样本可同时检测超过 170,000 个探针。每张芯片检测 12 个样本。

羊 **羊 SNP 芯片服务**

产品名称: illumina OvineSNP50 Genotyping BeadChip

芯片信息: 羊 SNP50 基因分型芯片是通过 Illumina 的 iSelect 项目与国际羊基因组协会 合作开发。它包含超过 50000 个 SNP 位点, 平均每 46kb 有一个标记, 覆盖整个基因组。此 12 样本芯片整合了多个羊品种基因差异, 性价比高, 能提供足 够的 SNP 密度, 可应用与全基因组关联研究或其他研究中。

玉

米

玉米 SNP 芯片服务

产品名称: Maize SNP50 Genotyping BeadChip

芯片信息: 玉米基因分型芯片, 包含 50,000 个 SNP 探针, 每张芯片可同时检测 24 个样本。

水

稻

Affymetrix 水稻 SNP 芯片

GeneChip® Rice 44K SNP Genotyping Array

including indica, aus, tropical japonica, temperate japonica, and group V. 44,100 SNPs

- ~1 SNP every 10 kb throughout the 12 chromosomes of rice
- 12 probes per SNP
- Median call rate of 95.9 percent for more than 400 diverse *O. sativa* (inbred) accessions
- Greater than 99 percent average pair-wise concordance of technical replicates
- Greater than 92 percent average call rate

序列捕获

Sequence Capture

序列捕获

人

| | |
|-----|---|
| 人 | <p>人外显子序列捕获芯片 2.1M NimbleGen Sequence Capture Human Exome 2.1M Array Format: 2.1M Source: UCSC Build: HG18 or HG19 # of Probes 2.1M Capture Target Size Up to 50Mb</p> <p>自定义序列捕获芯片,多物种序列捕获定制芯片 2.1M Custom Human Sequence Capture 2.1M Array Format: 2.1M Source: UCSC Build: HG18 or HG19 # of Probes 2.1M Capture Target Size Up to 50Mb</p> <p>Titanium 优化的自定义序列捕获芯片,多物种序列捕获定制芯片 385K Titanium Optimized Sequence Capture 385K Array Format: 385K Source: UCSC Build: HG18 or HG19 # of Probes 385K Capture Target Size Up to 5Mb</p> |
| 自定义 | <p>自定义序列捕获芯片,多物种序列捕获定制芯片 385K Custom Sequence Capture 385K Array Format: 385K Source: UCSC Build: HG18 or HG19 # of Probes 385K Capture Target Size Up to 5Mb</p> <p>DNA 序列捕获芯片,SureSelect DNA Capture Array</p> |

miRNA 芯片

microRNA Microarray

miRNA

人、动、植

人类 miRNA 芯片 Human miRNA OneArray v3

人类 miRNA 芯片 Human miRNA OneArray® v3

参考 Sanger miRBase 数据库 release 17 的序列进行探针设计，人类 miRNA 芯片 v3 探针内容

人

学名 Homo sapiens

常用中文名称 人类

探针代表号 hsa

常用英文名称 Human

miRNA 探针数 1,711

总所对应的成熟 miRNA 数 1,732

miRNA 探针重复数 3

控制探针数 189

总探针数 5,322

小鼠&大鼠 miRNA 芯片 Mouse&Rat miRNA OneArray v3

小鼠&大鼠 miRNA 芯片 Mouse&Rat miRNA OneArray® v3, 参考 Sanger miRBase 数据库 release 17 的序列进行探针设计

小鼠&大鼠 miRNA 芯片 v3 探针内容

小鼠、大鼠

学名 Mus musculus Rattus norvegicus

常用中文名称 小鼠 大鼠

常用英文名称 Mouse Rat

探针代表号 mmu rno

miRNA 探针数 1,086 676

所对应的成熟 miRNA 数 1,111 680

RmiOA v3 miRNA 探针总数 1,320

RmiOA v3 所对应的成熟 miRNA 总数 1,791

miRNA 探针重复数 3

控制探针数 144

总探针数 4,104

※小鼠与大鼠有 442 个 miRNA 探针是共有的。

模式植物：拟南芥、水稻、大豆、玉米、高粱、葡萄、短柄草等 miRNA 芯片

模式植

物：拟南芥、水稻、大豆、玉米、高粱、葡萄、短柄草

模式植物 miRNA 芯片 v3 是参考 Sanger miRBase 数据库 release 17 的序列进行探针设计，并以自有的高速布放技术进行芯片生产。v3 版中涵盖阿拉伯芥、水稻、大豆、高粱、葡萄、玉米、短柄草等七种常见模式植物的 miRNA 探针序列，

基因探针

模式植物 miRNA 芯片 v3 是参考 Sanger miRBase 数据库 release 17 的序列进行探针设计，共计 1,018 个序列，可对应到 1,817 个成熟的 miRNA。在探针设计的过程，依据各序列的特性，进行严格 Tm 值的把关及调整。在每一芯片上，每一个 miRNA 序列具有 3 个重复的探针。